**CAMPOSTRINI NATASCIA**

INFORMAZIONI PERSONALI

Stato civile: nubile

Data di nascita: 18 dicembre 1975

Luogo di nascita: Verona

Residenza: Via Scopella 32, 37060 Castel d’Azzano, Verona

Cell.: 347/0146415

e-mail: natascia.campostrini\_02@univr.it

**ISTRUZIONE E FORMAZIONE**

**Dic 2011 ad oggi** Università degli Studi di Verona (Dip.Madicina)

Titolare di un *Assegno di Ricerca* presso l’Università degli Studi di Verona, Dipartimento di Medicina, Sezione Medicina Interna B per l’attuazione del seguente programma di ricerca: “Valutazione di dispositivi nanotecnologici come tecnica emergente di quantificazione dell'epcidina tramite tecnologia validata SELDI-TOF-MS”.

**Dic 2008 - Nov 2011** Università degli Studi di Verona (Dip.Madicina)

Titolare di un *Assegno di Ricerca* presso l’Università degli Studi di Verona, Dipartimento di Medicina, Sezione Medicina Interna B per l’attuazione del seguente programma di ricerca: “Studio del ruolo dell’ormone epatico epcidina nell’anemia associata alla disfunzione renale cronica, all’insufficienza cardiaca e alla sindrome cardiorenale”.

**Dic 2006 - Nov 2008** Università degli Studi di Verona (Dip.Madicina Clinica e Sperimentale)

Titolare di *borsa Telethon* presso il Dipartimento di Medicina Clinica e Sperimentale, Sezione Medicina Interna B per l’attuazione del seguente progetto di ricerca: “Sviluppo e validazione clinica di un nuovo metodo per l’analisi dell’epcidina urinaria. Implicazioni per la diagnosi e il trattamento dell’emocromatosi genetica e altre malattie legate al sovraccarico da ferro”.

**18 Mag 2006** Università degli Studi di Verona

Conseguimento del *Dottorato di ricerca in Biotecnologie Industriali ed Ambientali* presso la Facoltà di Scienze MM. FF. NN. (Università degli Studi di Verona).

**Gen 2003 - Mag 2006** Università degli Studi di Verona

*Dottorato di ricerca in Biotecnologie Industriali ed Ambientali* presso la Facoltà di Scienze MM. FF. NN. (Università degli Studi di Verona), con progetto di ricerca nell’ambito delle Metodologie Biochimiche, incentrato sull’analisi di proteine attraverso l’Elettroforesi Bidimensionale con titolo: “Approccio proteomico per lo studio del tumore Neuroblastoma”.

**Ott 2002 - Nov 2005** Università degli Studi di Verona

Titolare di un Assegno di Ricerca presso l’Università degli Studi di Verona, ottenuto per Pubblico Concorso tenutosi il 23 settembre 2002 presso il Dipartimento Scientifico-Tecnologico dell’Università di Verona, per l’attuazione del seguente programma di ricerca: “Progetto Proteoma: Analisi e Caratterizzazione Proteomica Associata allo Studio della Proteina Beta-Amiloide nella Malattia di Alzheimer”.

**1994 - 2002** Università degli Studi di Verona

 *Laurea in Biotecnologie Agro-Industriali*, conseguita il giorno 28 febbraio 2002.

 Votazione 106/110.

Tesi di laurea: “Approccio proteomico per l’analisi della proteina prionica cellulare nel fluido cerebrospinale e nel sistema nervoso centrale”, relatore Prof. Pier Giorgio Righetti. La sperimentazione è stata svolta nel laboratorio di Metodologie Biochimiche, presso il Dipartimento Scientifico-Tecnologico dell’Università degli Studi di Verona in collaborazione con il laboratorio di Neuropatologia, Policlinico G.B. Rossi di Verona. Durante lo svolgimento dell'internato di tesi, sono stati appresi i metodi di allestimento di una analisi elettroforetica bidimensionale per la separazione di miscele complesse di proteine. Particolare attenzione è stata rivolta alla preparazione dei campioni attraverso tecniche di pre-trattamento del campione (immunoprecipitazione, prefrazionamento mediante cromatografia e prefrazionamento mediante l’elettrolizzatore a multicompartimenti). Inoltre sono stati approfonditi i metodi di utilizzo di specifici programmi di bio-informatica applicabili all’analisi comparativa dei profili proteici.

**1989 - 1994** Liceo Scientifico “Galileo Galilei”, Verona

*Diploma di maturità scientifica*, conseguito nell’anno 1994.

Votazione 50/60.

**Occasioni di approfondimento della preparazione:**

[1] Partecipazione al Congresso “International council of electrophoresis societies (ICES) 2001: An Electrophoretic Odyssey” presso il Centro Congressi GlaxoSmithKline Verona, Italia, 10-13 giugno 2001.

[2] Partecipazione al seminario “Genomics, Cellomics, Proteomics” presso il Centro Congressi GlaxoSmithKline Verona, Italia, 14 marzo 2002.

[3] Partecipazione al seminario “See the Difference/Proteomics New Era: Solutions and Applications” presso l’Istituto Veneto di Medicina Molecolare, Padova, Italia, 29 maggio 2002.

[4] Partecipazione al Congresso “Human Proteome Organisation (HUPO), 2002 First World Congress” presso il Convention Center, Versailles, Francia, 21-24 novembre 2002.

[5] Partecipazione al Congresso “International council of electrophoresis societies (ICES) 2003: Proteomics; present perspectives and future challenges” presso il Scottish Exhibition and Conference Centre (SECC), Glasgow, UK, 27-30 maggio 2003.

[6] Partecipazione al Congresso “Swiss Proteomics Society (SPS) 2003 Congress-Applied Proteomics”, Basilea, Svizzera, 2-4 dicembre 2003.

[7] Partecipazione al “I° Congresso dell’Italian Proteome Society (IPSo)”, presso l’Università di Verona, Policlinico G.B. Rossi, Italia, 27-29 maggio 2004.

[8] Partecipazione al Congresso “Advances in Neuroblastoma Research (ANR) 2004”, Genova, Italia, 16-19 giugno 2004.

[9] Partecipazione al corso “Ciphergen ProteinChip Technology Basic training Course” tenutosi a Guildford, UK, 8-11 febbraio 2005.

[10] Partecipazione al “I Congress of the Spanish Proteomics Society (SEPROT)”, presso l’Università di Córdoba, Spagna, 14-17 febbraio 2005.

[11] Partecipazione al “II° Congresso dell’Italian Proteome Society (IPSo)”, presso l’Università della Tuscia, Viterbo, Italia, 29 maggio-1 giugno 2005.

[12] Partecipazione al Seminario “Nuove tecnologie e sviluppi nell’analisi del proteoma”, presso l’Università degli Studi di Verona, Verona, Italia, 6 luglio 2005.

[13] Partecipazione al “Human Proteome Organisation (HUPO) 4th Annual World Congress”, tenutosi a Monaco, Germania, 29 agosto-1 settembre 2005.

[14] Partecipazione al corso “MALDI-TOF MS & API MS Courses” , tenutosi a Brema, Germania, 23-25 gennaio 2006.

[15] Partecipazione al “1° Congresso della Italian Proteomic Association - ITpa”, tenutosi presso CNR – area della ricerca di Pisa, Pisa, Italia, 2-4 luglio 2006.

[16] Partecipazione al “HUPO 5th Annual World Congress”, tenutosi a Long Beach, California, USA, 29 ottobre- 1 novembre 2006.

[17] Partecipazione alla “XIV Convention Scientifica Telethon”, tenutasi a Salsomaggiore Terme, Parma, Italia, 12-14 marzo 2007.

[18] Partecipazione al “EIC 2007 – European Iron Club Meeting”, tenutosi a Londra, UK, 13-15 settembre 2007.

[19] Partecipazione al “SELDI User Meeting”, tenutosi a Lodi, Italia, 17-18 ottobre 2007.

[20] Partecipazione al “EIC 2008 – European Iron Club Meeting”, tenutosi a San Gallo, Svizzera, 17-19 settembre 2008.

[21] Partecipazione al “SELDI User Meeting”, tenutosi a Siena, Italia, 23-24 ottobre 2008.

[22] Partecipazione alla “XV Convention Scientifica Telethon”, tenutasi a Riva del Garda, Trento, Italia, 9-11 marzo 2009.

[23] Partecipazione al “BIOIRON 2009”, tenutosi a Porto, Portogallo, 7-11 giugno 2009.

[24] Partecipazione al “EIC 2010 – European Iron Club Meeting”, tenutosi a Nijmegen, Olanda, 15-17 settembre 2010.

[25] Partecipazione al “BIOIRON 2011”, tenutosi a Vancouver, Canada, 23-26 maggio 2011.

[26] Partecipazione al convegno “Studiando il sangue verso la medicina personalizzata. L’eredità di Giorgio De Sandre (1926-2002)”, tenutosi a Verona, Italia, 10-11 febbraio 2012.

## COMUNICAZIONI ORALI E POSTERS PRESENTATI A CONGRESSI SCIENTIFICI

**Comunicazioni orali:**

[1] “Comparative two-dimensional mapping of prion protein isoforms in human cerebrospinal fluid and central nervous system” (From Genome to Proteome: Functional proteomics - 5th Siena Meeting, Siena, Italia, 2-5 settembre 2002).

[2] “The proteome, *anno domini* two zero zero two (a snapshot for posterity)” (Swiss Proteomics Society (SPS) 2002 Congress- Applied Proteomics, Losanna, Svizzera, 3-5 dicembre 2002).

[3] “Quantitative Proteomics: a review of different methodologies” (International council of electrophoresis societies (ICES) 2003: Proteomics: present perspectives and future challenges, Glasgow, UK, 27 -30 maggio 2003).

[4] “Quantitative Proteomics: a review of different methodologies” (Internation meeting on Proteome Analysis, Monaco, Germania, 14-17 settembre 2003).

[5] “The proteome, *anno domini* two zero zero three: a snapshot for posterity” (Primo Congresso Nazionale – Sezione Italiana Human Proteome Organization (IHUPO), Napoli, Italia, 26-27 settembre 2003).

[6] “The proteome, *anno domini* two zero zero three: a snapshot for posterity” (Giornate di Scienza delle Separazioni, Roma, Italia, 15-16 dicembre 2003).

[7] “Quantitative Proteomics: a review of different methodologies” (17th International Symposium on Microscale Separations and Capillary Electrophoresis, Salisburgo, Austria, 8-12 febbraio 2004).

[8] “Nuove prospettive diagnostiche: applicazioni della proteomica”. (Corso ECM del I° Congresso dell’Italian Proteome Society (IPSo), Verona, Italia, 29 maggio 2004).

[9] “Proteomic analysis of Neuroblastoma tissues” (II° Congresso dell’Italian Proteome Society (IPSo), Viterbo, Italia, 29 maggio-1 giugno 2005).

[10] “Multivariate statistical tools for the study and classification of proteomics 2D-PAGE maps: application to human lymphomas and endothelia” (II° Congresso dell’Italian Proteome Society (IPSo)”, Viterbo, Italia, 29 maggio-1 giugno 2005).

[11] “Proteomic analysis of Neuroblastoma tissues”. (Nuove tecnologie e sviluppi nell’analisi del Proteoma - Proteomics Alliance Verona, Italia, 6 luglio 2005).

[12] “Metodi chemiometrici di analisi multivariata per il confronto di mappe 2D-PAGE nel campo della proteomica” (XIX Congresso Nazionale di Chimica Analitica, Cagliari, Italia, 11-15 settembre 2005).

[13] “Measurement of urinary hepcidin levels by SELDI-TOF-MS in HFE-Hemochromatosis”. (EIC 2007 – European Iron Club Meeting”, Londra, UK, 13-15 settembre 2007).

[14] “Analisi semi-quantitativa di epcidina in pazienti affetti da Emocromatosi”. (SELDI User Meeting 2007, Lodi, Italia, 17-18 ottobre 2007).

[15] “Il dosaggio dell’epcidina mediante approccio proteomico”. (Attualità sulle malattie del ferro. Dalla medicina molecolare alla clinica, Verona, Italia, 20 maggio 2010).

[16] “A time course of hepcidin response to iron challenge in HFE and TfR2 Hemochromatosis patients”. (EIC 2010 – European Iron Club Meeting”, Nijmegen, Olanda, 17 settembre 2010).

**Posters:**

[1] “Comparative mapping of PrP isoform in human cerebrospinal fluid (CSF) and in central nervous system (CNS)”. International Council of Electrophoresis Societies (ICES) 2001: An Electrophoretic Odyssey. (Verona, Italia, 10-13 giugno 2001).

[2] “Mapping of cellular prion protein from cerebrospinal fluid and central nervous system: immunoblotting and purification via dedicated antibodies”. From Genome to Proteome: Functional proteomics - 5th Siena Meeting. (Siena, Italia, 2-5 settembre 2002).

[3] “Mapping Of Cellular Prion Protein From Cerebrospinal Fluid & Central Nervous System: Immunoblotting And Purification *Via* Dedicated Antibodies

”. Human Proteome Organization (HUPO), 2002 First World Congress. (Versailles, Francia, 21-24 novembre 2002).

[4] “Proteomic Analysis of Neuroblastoma Tissues”. International Council of Electrophoresis Societies (ICES) 2003: Proteomics; present perspectives and future challenges. (Glasgow, UK, 27-30 maggio 2003).

[5] “Application of proteomics to cancer research”. Primo Congresso Nazionale – Sezione Italiana Human Proteome Organization (IHUPO). (Napoli, Italia, 26-27 settembre 2003).

[6] “Application of proteomics to cancer research”. Swiss Proteomics Society (SPS) 2003 Congress- Applied Proteomics. (Basilea, Svizzera, 2-4 dicembre 2003).

[7] “Study of Human Neuroblastoma Progression using Proteome analysis”, “Study of proteomic changes assssociated with healthy end tumoral murine samplesss in Neuroblastoma by Principal Component Analysis and Classification methods”, “Two-dimensional mapping as a tool of classification of green coffee bean species” e “Proteomic study of plant-specific proteins S-nytrosilated in response to bacterial infection”. I° Congresso dell’Italian Proteome Society (IPSo). (Verona, 27-29 maggio 2004).

[8] “Proteomic analysis of an orthotopic neuroblastoma animal model”. Advances in Neuroblastoma Research (ANR) 2004. (Genova, 16-19 giugno 2004).

[9] “Proteomic Analisys of S-Nitrosylated Proteins in *Arabidopsis* during the disease resistance response”. XLVIII ANNUAL CONGRESS – Società Italiana di Genetica Agraria. (Lecce, 15-18 settembre 2004). Questo poster ha vinto il premio come miglior poster.

[10] “Spot overlapping in two-dimensional maps: a serious problem ignored for much too long time!”. I Congress of the Spanish Proteomics Society (SEPROT). (Cordoba, Spagna, 14-17 febbraio 2005).

[11] “Differential Proteomic Analysis of Human Endothelial Cells treated with Vinblastine and Rapamycin alone and in combination”, “Application of multivariate analysis to 2D-PAGE maps of human endothelia cells for classification purposes”. “Formation of truncated proteins and high-molecular-mass aggregates upon short (soft) illumination of chlorophyll binding proteins”. “Analysis of S-nitrosylatd proteins in *Arabidopsis Thaliana*”. “Differential proteomic analysis of the transgenic maize line MON810”. II° Congresso dell’Italian Proteome Society. (Viterbo, 29 maggio-1 giugno 2005).

[12] “Proteomic analysis of S-nitrosylation in *Arabidopsis* plants during the hypersensitive disease resistance responce”. SEB Main Meeting. (Barcellona, Spagna, 11 luglio 2005).

[13] “Differential Proteomic Analysis of Human Endothelial Cells treated with Vinblastine and Rapamycin alone and in combination”. Human Proteome Organisation (HUPO) 4th Annual World Congress. (Monaco, Germania, 29 agosto-1 settembre 2005).

[14] “Formation of truncated proteins and high-molecular-mass aggregates upon soft illumination of photosynthetic proteins”. Swiss Proteomic Society (SPS) 2005 Congress Expanding Proteomics. (Zurigo, Svizzera, 5-7 dicembre 2005).

[15] “Proteomic Analysis of anti-angiogenic effect by a combined treatment with Vinblastine and Rapamycin in an Endothelial Cells line”. 1° Congresso della Italian Proteomic Association. (Pisa, Italia, 2-4 luglio 2006).

[16] “Anticancer activity of a novel histone deacetylase inhibitor against human colorectal cancer cells”. HUPO 5th Annual World Congress (Long Beach, California, USA, 29 ottobre - 1 novembre 2006).

[17] “Development and clinical validation of a novel, high-throughput, assay for urinary hepcidin. Implications for diagnosis and treatment of genetic hemocromatosis and other iron overload disorders”. XIV Convention Scientifica Telethon (Salsomaggiore Terme, Parma, Italia, 12-14 marzo 2007).

[18] “Measurement of urinary hepcidin levels by SELDI-TOF-MS in HFE-hemochromatosis”. ASH 2007 (Atlanta, USA, 8-11 dicembre 2007).

[19] “Evaluation of serum hepcidin (hep) levels by SELDI-TOF MS and iron status in hemodialysis (HD) patients (pts) on maintenance epoietin α (epo) treatment: a pilot study”. EIC 2008 (San Gallo, Svizzera, 17-19 settembre 2008).

[20] “Hepcidin measurement by quantitative SELDI-TOF-MS in hemodialysis patients: evaluation of iron status during erythropoiesis-stimulating agents therapy”. IBIS Meeting (Porto, Portogallo, 7-11 giugno 2009).

[21] “Hepcdin levels and their determinants in different types of Myelodisplastic syndromes”. IBIS Meeting (Vancouver, Canada, 23-26 giugno 2011).

**PUBBLICAZIONI SCIENTIFICHE**

[1] “Comparative two-dimensional mapping of prion protein isoforms in human cerebrospinal fluid and central nervous system.” Castagna A, Campostrini N, Farinazzo A, Zanusso G, Monaco S, Righetti PG, Electrophoresis 2002, 23, 339-346.

[2] “The proteome: anno Domini 2002.” Righetti PG, Castagna A, Antonucci F, Piubelli C, Cecconi D, Campostrini N, Zanusso G, Monaco S, Clin Chem Lab Med 2003, 41, 425-438. Review.

[3] “Quantitative proteomics: a review of different methodologies.” Righetti PG, Campostrini N, Pascali J, Hamdan M, Astner H, Eur J Mass Spectrom 2004,10, 335-348. Review.

[4] “Study of proteomic changes associated with healthy and tumoral murine samples in neuroblastoma by principal component analysis and classification methods.” Marengo E, Robotti E, Righetti PG, Campostrini N, Pascali J, Ponzoni M, Hamdan M, Astner H, Clin Chim Acta 2004, 345, 55-67.

[5] “Proteomic analysis of an orthotopic neuroblastoma xenograft animal model. ” Campostrini N, Pascali J, Hamdan M, Astner H, Marimpietri D, Pastorino F, Ponzoni M, Righetti PG, J Chromatogr B Analyt Technol Biomed Life Sci 2004, 808, 279-286.

[6] “Critical survey of quantitative proteomics in two-dimensional electrophoretic approaches.” Righetti PG, Castagna A, Antonucci F, Piubelli C, Cecconi D, Campostrini N, Antonioli P, Astner H, Hamdan M, J Chromatogr A 2004, 1051, 3-17.

[7] “Numerical approaches for quantitative analysis of 2D map: a review of commercial software and of “home-made” systems” Marengo E, Robotti E, Antonucci F, CecconiD, Campostrini N, RighettiPG, Proteomics 2005, 5, 654-666.

[8] “Two-dimensional mapping as a tool for classification of green coffee bean species.” Gil-Agusti MT, Campostrini N, Zolla L, Ciambella C, Invernizzi C, Righetti PG, Proteomics 2005, 5, 710-718.

[9] “Spot overlapping in two dimensional maps: a serious problem ignored for much too long time!” Campostrini N, Areces LB, Rappsilber J, Pietrogrande MC, Dondi F, Pastorino F, Ponzoni M, Righetti PG, Proteomics 2005, 5, 2385-2395.

[10] “Proteomic approaches for studying chemoresistance in cancer.” Righetti PG, Castagna A, Antonioli P, Cecconi D, Campostrini N, Righetti SC, Expert Rev Proteomics 2005, 2, 215-228. Review.

[11] “Proteome analysis in the clinical chemistry laboratory: Myth or reality?” Righetti PG, Castagna A, Antonucci F, Piubelli C, Cecconi D, Campostrini N, Rustichelli C, Antonioli P, Zanusso G, Monaco S, Lomas L, Boschetti E, Clin Chim Acta 2005, 357, 123-139. Review.

[12] “Formation of truncated proteins and high-molecular-mass aggregates upon soft illumination of photosynthetic proteins”. Rinalducci S, Campostrini N, Antonioli P, Righetti PG, Roepstorff P, Zolla L, J Proteome Research 2005, 4, 2327-2337.

[13] “Proteomic Analysis of anti-angiogenic effect by a combined treatment with Vinblastine and Rapamycin in an Endothelial Cells line”. Campostrini N, Marimpietri D, Totolo A, Mancone C, Fimia GM, Ponzoni M, Righetti PG, Proteomics 2006, 6, 4420-4431.

[14] “Measurement of urinary hepcidin levels by SELDI-TOF-MS in HFE-Hemochromatosis”. Bozzini C, Campostrini N, Trombini P, Nemeth E, Castagna A, Tenuti I, Corrocher R, Camaschella C, Ganz T, Olivieri O, Piperno A, Girelli D, Blood 2008,40, 347-352.

[15] “Application of partial least squares discriminant analysis and variable selection procedures: a 2D-PAGE proteomic study”. Marengo E, Robotti E, Bobba M, Milli A, Campostrini N, Righetti SC, Cecconi D, Righetti PG. Anal Bioanal Chem 2008, 390, 1327-1342.

[16] “Proteomic analysis of S-nitrosylated proteins in Arabidopsis thaliana undergoing hypersensitive response”. Romero-Puertas MC, Campostrini N, Mattè A, Righetti PG, Perazzolli M, Zolla L, Roepstorff P, Delledonne M. Proteomics 2008, 8, 1459-1469.

[17] “A proteomic approach for evaluating the cell response to a novel histone deacetylase inhibitor in colon cancer cells”. Milli A, Cecconi D, Campostrini N, Timperio AM, Zolla L, Righetti SC, Zunino F, Perego P, Benedetti V, Gatti L, Odreman F, Vindigni A, Righetti PG. Biochim Biophys Acta 2008, 1784, 1702-1710.

[18] “Advances in quantitative hepcidin measurements by time-of-flight mass Spectrometry”. Swinkels DW, Girelli D, Laarakkers C, Kroot J, Campostrini N, Kemna EH, Tjalsma H. PLoS ONE 2008, 3:e2706.

[19] “Clinical, pathological, and molecular correlates in ferroportin disease: A study of two novel mutations”. Girelli D, De Domenico I, Bozzini C, Campostrini N, Busti F, Castagna A, Soriani N, Cremonesi L, Ferrari M, Colombari R, McVey Ward D, Kaplan J, Corrocher R. J Hepatol 2008, 49, 664-671.

[20] “Acquired iron overload associated with antitransferrin monoclonal immunoglobulin: A case report”. Forni GL, Girelli D, Lamagna M, Mori M, Marinaro E, Campostrini N, Carrara P, Maffei M. Am J Hematol 2008, 83, 932-934.

[21] "High resolution preparation of monocyte-derived macrophages (MDM) protein fractions for clinical proteomics”. Polati R, Castagna A, Bossi A, Campostrini N, Zaninotto F, Timperio AM, Zolla L, Olivieri O, Corrocher R, Girelli D. Proteome Sci 2009, 7, 4.

[22] "Alterations of systemic and muscle iron metabolism in human subjects treated with low dose recombinant erythropoietin”. Robach P, Recalcati S, Girelli D, Gelfi C, Aachmann-Andersen NJ, Thomsen JJ, Norgaard AM, Alberghini A, Campostrini N, Castagna A, Vigano A, Santambrogio P, Kempf T, Wollert KC, Moutereau S, Lundby C, Cairo G. Blood 2009, 113, 6707-6715.

[23] “HFE mutations modulate the effect of iron stores and inflammation on serum hepcidin-25 in chronic hemodialysis patients”.Valenti L, Girelli D, Valenti GF, Castagna A, Como G, Campostrini N, Rametta R, Dongiovanni P, Messa P, Fargion S. Clin J Am Soc Nephrol 2009, 4, 1331-1337.

[24] “Reduced serum hepcidin levels in patients with chronic hepatitis C”. Girelli D, Pasino M, Goodnough JB, NemethE, Guido M, Castagna A, Busti F, Campostrini N, Martinelli N, Vantini I, Corrocher R, Ganz T, Fattovich G. J Hepatol 2009, 51, 845-852.

[25] “Results of the first international round robin for the quantification of urinary and plasma hepcidin assays: need for standardization”. Kroot JJC, Kemna EHJM, Bansal SS, Busbridge M, Campostrini N, Girelli D, Hider RC, Koliaraki V,

 Mamalaki A, Olbina G, Tomosugi N, Tselepis C, Ward DG, Ganz T, Hendriks JCM, Swinkels DW. Haematologica 2009, 94, 1748-1752.

[26] “Hepcidin assay in serum by SELDI-TOF-MS and other approaches”. Castagna A, Campostrini N, Zaninotto F, Girelli D. J Proteomics 2010, 73, 527-536. Review.

[27] “Novel TMPRSS6 mutations associated with iron-refractory iron deficiency anemia (IRIDA)”. De Falco L, Totaro F, Nai A, Pagani A, Girelli D, Silvestri L, Piscopo C, Campostrini N, Dufour C, Al Manjomi F, Minkov M, Van Vuurden DG, Feliu A, Kattamis A, Camaschella C, Iolascon A. Hum Mutat 2010, 31, E1390-1405.

[28] “Evaluation of hepcidin isoforms in hemodialysis patients by a proteomic approach based on SELDI-TOF MS”. Campostrini N, Castagna A, Zaninotto F, Bedogna V, Tessitore N, Poli A, Martinelli N, Lupo A, Olivieri O, Girelli D. J Biomed Biotechnol. 2010;2010:329646.

[29] “Hepcidin is not useful as a biomarker for iron needs in haemodialysis patients on maintenance erythropoiesis-stimulating agents”. Tessitore N, Girelli D, Campostrini N, Bedogna V, Pietro Solero G, Castagna A, Melilli E, Mantovani W, De Matteis G, Olivieri O, Poli A, Lupo A. Nephrol Dial Transplant 3: 2010, 25, 3996-4002.

[30] “A time course of hepcidin response to iron challenge in HFE and TfR2 Haemochromatosis patients”. Girelli D, Trombini P, Busti F, Campostrini N, Sandri M, Pelucchi S, Westerman M, Ganz T, Nemeth E, Piperno A, Camaschella C. Haematologica 2011, 96, 500-506.

[31] “Heparin: a potent inhibitor of hepcidin expression in vitro and in vivo”. Poli M, Girelli D, Campostrini N, Maccarinelli F, Finazzi D, Luscieti S, Nai A, Arosio P. Blood 2011, 117, 997-1004.

[32] “Association of HFE and TMPRSS6 genetic variants with iron and erythrocyte parameters is only in part dependent on serum hepcidin concentrations”. Traglia M, Girelli D, Biino G, Campostrini N, Corbella M, Sala C, Masciullo C, Viganò F, Buetti I, Pistis G, Cocca M, Camaschella C, Toniolo D. J Med Genet. 2011, 48, 629-634.

[33] “TMPRSS6 rs855791 modulates hepcidin transcription in vitro and serum hepcidin levels in normal individuals”. Nai A, Pagani A, Silvestri L, Campostrini N, Corbella M, Girelli D, Traglia M, Toniolo D, Camaschella C. Blood. 2011, 118, 4459-4462.

[34] “Hepcidin levels and their determinants in different types of myelodysplastic syndromes”. Santini V, Girelli D, Sanna A, Martinelli N, Duca L, Campostrini N, Cortelezzi A, Corbella M, Bosi A, Reda G, Olivieri O, Cappellini MD. PLoS One. 2011;6(8):e23109.

[35] “Urinary hepcidin identifies a serum ferritin cut-off for iron supplementation in young athletes: a pilot study”. Borrione P, Spaccamiglio A, Rizzo M, Termine A, Chierto E, Campostrini N, Quaranta F, Di Gianfrancesco A, Pigozzi F. J Biol Regul Homeost Agents. 2011, 25, 427-434.

**CAPITOLI DI LIBRI**

[1] “Quantitative Proteomics”. Righetti PG, Antonioli P, Campostrini N, Cecconi D, Accepted for publication in Encyclopaedia of Separation Science, Ian D. Wilson (ed), Academic Press, London, 2006. ISBN: 0122267702.

[2] “Pre-fractionation techniques in proteome analysis”. Righetti PG, Cecconi D, Campostrini N, Antonioli P, Accepted for publication in Encyclopaedia of Separation Science, Ian D. Wilson (ed), Academic Press, London, 2006. ISBN: 0122267702.

## ESPERIENZE FORMATIVE

[1] Organizzazione e Segreteria Scientifica del I° Congresso dell’Italian Proteome Society (IPSo) (Verona, 27-29 maggio 2004).

[2] Coordinatore dei laboratori didattici di Metodologie Biochimiche per il 2° e 3° anno del nuovo ordinamento del Corso di Laurea in Biotecnologie Agro-Industriali. Co-esaminatore agli esami orali del medesimo corso (maggio 2003).

[3] Relatore al Corso “Proteoma e Mappe 2D: Corso Teorico Pratico” tenutosi presso l’Università degli Studi di Verona (10-12 giugno 2002, 17-19 dicembre 2003, 19-21 maggio 2004, 15-17 dicembre 2004, 11-14 luglio 2005, 12-15 dicembre 2005, 10-13 luglio 2006, luglio 2007) in collaborazione con Bio-Rad Laboratories. Co-autore del manuale “Proteoma e Mappe 2D: Corso Teorico Pratico” distribuito ai partecipanti del medesimo corso.

[4] Coordinatore dei laboratori didattici di Proteomica per il 4° e 5° anno del Corso di Laurea Specialistica in Biotecnologie Molecolari e Industriali (giugno 2006 - giugno 2007).

**LINGUE STRANIERE**

Buona conoscenza della lingua inglese parlata e scritta: in possesso del certificato FCE (First Certificate in English) conseguito nell’anno 2005.

## CONOSCENZE INFORMATICHE/TECNICHE

Ottima conoscenza degli applicativi del pacchetto Microsoft Office (MS Word, MS Excel, MS PowerPoint). Ottima conoscenza dei programmi per l’analisi dei profili proteici su mappe bidimensionali (Quantity One, PDQuest), analisi e visualizzazione di pathways proteici (PathwayAssist-Stratagene). Utilizzo di motori di ricerca e Banche Dati.

Ottima conoscenza delle tecniche per l’analisi bidimensionale delle proteine, per l’analisi degli acidi nucleici, spettrometria di massa SELDI-TOF.

**ALTRE INFORMAZIONI**

Attitudini: facilità di apprendimento, predisposizione per le nuove tecnologie, ottime capacità organizzative sia per lavoro autonomo che di gruppo. Tutor di studenti del corso di Laurea in Tecniche di Laboratorio Biomedico dell’Università di Verona e del corso di Laurea in Biotecnologie Agro-Industriali dell’Università di Verona.

Volontaria della Croce Verde di Verona dal dicembre 2008.

Esperienza come volontaria presso il Campus Madrugada Don Settimio Ferrazzetta della Diocesi di Bissau in Guinea Bissau (12-27 marzo 2010). In tale occasione ho avuto la possibilità di affiancare i tecnici di laboratorio per analisi di routine e diagnosi di malaria e il personale medico del centro Medico.

La sottoscritta **CAMPOSTRINI NATASCIA** nata a VERONA il 18.12.1975 residente a CASTEL D’AZZANO (VR), in via SCOPELLA n.32, consapevole della responsabilità penale prevista, dall’art. 76 del D.P.R. 445/2000, per le ipotesi di falsità in atti e dichiarazioni mendaci ivi indicate

DICHIARA

Che le informazioni contenute nel curriculum non sono mendaci.

AUTORIZZO IL TRATTAMENTO DEI DATI PERSONALI AI SENSI DEL D. Lgs. 196/2003.